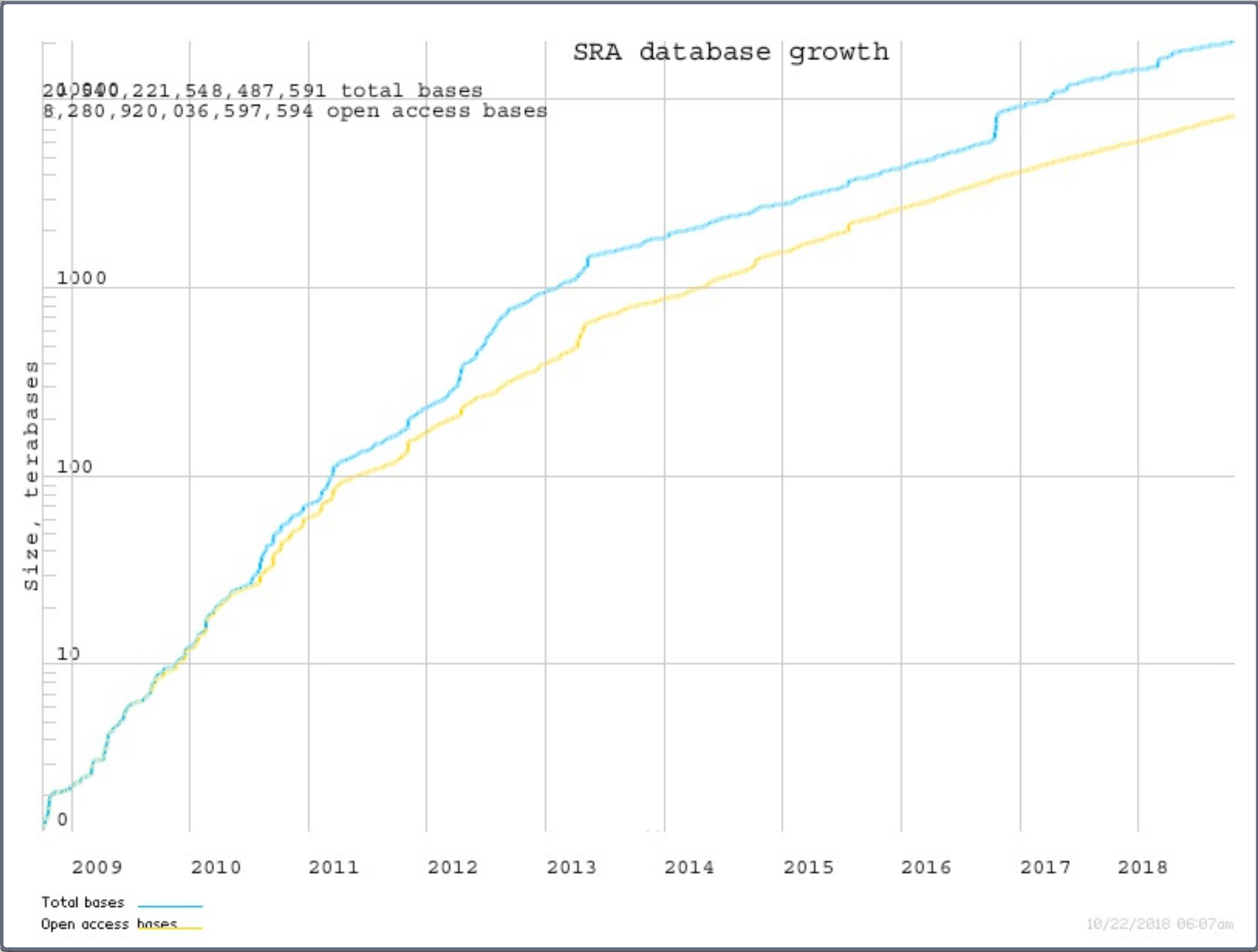


Last



[Download data in CSV format](#)

Contact SRA staff for assistance at sra@ncbi.nlm.nih.gov

Documentation

- [SRA Overview](#)
- [SRA Fact Sheet \(.pdf\)](#)
- [SRA database growth](#)
- [File Format Guide](#)
- [Search in SRA](#)

Downloading SRA data

- [Download Guide](#)
- [dbGaP download guide](#)

Submitting Data to SRA

General

- [Quick Start](#)
- [BioProject & BioSample](#)
- [SRA Metadata Overview](#)
- [SRA File Upload](#)
- [Frequently Asked Questions](#)

SRA Submission Portal

- [Submitting to SRA](#)
- [Troubleshooting submission](#)

Submitting for dbGaP & GE

- [Submitting for dbGaP](#)
- [Submitting for GEO](#)

Updating SRA Data

- [Updating SRA data](#)
- [Change release date](#)

Browsing

- [Studies](#)
- [Samples](#)
- [Analyses](#)
- [Data for a single RUN](#)
- [Data for any SRA object](#)

SRA Toolkit

- [SRA Toolkit latest release](#)
- [NCBI SRA-Tools Wiki](#)

SRA-BLAST Use Cases

- [Transcriptome analysis](#)
- [Metagenome analysis](#)

Archives

- [SRA Handbook](#)
- [Application Notes](#)
- [Knowledge Base](#)
- [SRA system \(.ppsx\)](#) 8.6 MB
- [Compression \(.ppsx\)](#) 5.8 MB
- [cSRA format \(.ppsx\)](#) 0.2 MB