



Candida auris

22 langues

Article Discussion

Lire Modifier Modifier le code Voir l'historique Outils

 Pour les articles homonymes, voir [Auris \(homonymie\)](#).

Candida auris est une [espèce](#) de [levures](#) [saccharomycetes](#), identifiée pour la première fois en 2009 à partir d'une souche isolée de l'oreille externe chez une patiente [japonaise](#)^{1,2}. Le *Candida auris* peut être responsable de [candidose](#), qui est souvent acquise dans les hôpitaux par les patients [immunodéprimés](#). Parfois qualifié de « super-champignon »³, il est capable de provoquer une [candidose](#) invasive et grave en infectant la [circulation sanguine](#), le [système nerveux central](#) et divers organes internes. Il est considéré comme un [pathogène émergent](#) car une nette augmentation du nombre d'infections du *C. auris* dans une dizaine de pays de cinq continents a été observée au cours des [années 2010](#). Curieusement, bien que présentant une certaine diversité génétique (entre souches différentes), il semblait « sorti de nulle part » et il a été signalé au même moment sur trois continents différents⁴, se répandant rapidement dans une trentaine de pays, dans des [hôpitaux](#) et [maisons de retraite](#). Son succès épidémiologique pourrait être lié au [réchauffement climatique](#)³.

Son traitement est compliqué car il est difficile à identifier et aisément confondu avec d'autres espèces proches comme *Candida haemulonii*, *Candida famata*. De plus, le *C. auris* est souvent [multi-résistant](#) aux [antifongiques](#) communs. En 2022, l'OMS le classe dans le groupe « priorité critique » de sa liste des champignons à surveiller en priorité^{5,6}.

Identification et morphologie [[modifier](#) |

[modifier le code](#)]

Candida



Candida auris cultivée en laboratoire.

Classification MycoBank

Règne	<i>Fungi</i>
Division	<i>Ascomycota</i>
Sous-division	<i>Saccharomycotina</i>
Classe	<i>Saccharomycetes</i>
Sous-classe	<i>Saccharomycetidae</i>
Ordre	<i>Saccharomycetales</i>
Genre	<i>Candida</i>

Espèce

Candida auris

Satoh & Makimura, 2009

Candida auris est une espèce de champignons [ascomycètes](#) du genre *Candida*, qui se développe sous forme de [levure](#), décrite pour la première fois en 2009². Son nom vient du mot latin pour oreille, *auris*⁷. Il forme des colonies lisses, brillantes, gris blanchâtre et visqueuses sur le support de croissance. Au microscope, les cellules ont une forme [ellipsoïdale](#)².

Signification clinique [[modifier](#) | [modifier le code](#)]

Candida auris est l'une des rares espèces de *Candida* pouvant provoquer une candidose chez l'humain. La candidose est souvent contractée dans les [hôpitaux](#) ([maladie nosocomiale](#)) par des patients dont le [système immunitaire](#) est affaibli. Elle peut provoquer une candidose invasive, caractérisée par une invasion du flux sanguin ([fongémie](#)), du [système nerveux central](#), des [reins](#), du [foie](#), des [os](#), des [muscles](#), des [articulations](#), de la [rate](#) ou des [yeux](#).

C. auris a attiré de plus en plus d'attention des cliniciens en raison de sa large [antibiorésistance](#) (multirésistance aux médicaments)^{8,9}.

Un bref aperçu de sa pertinence clinique à compter de 2016, compréhensible par le grand public, a été publié par le [Center for Infectious Disease Research and Policy](#) de l'[Université du Minnesota](#)⁴.

Traitement [[modifier](#) | [modifier le code](#)]

Il est compliqué par le fait que le *C. auris* résiste déjà à de nombreux [antimycosiques](#) et [antibiotiques](#), et qu'il est facilement confondu avec d'autres espèces de *Candida*^{8,9}.

La quasi-totalité des souches sont résistantes à la [fluconazole](#)¹⁰. La moitié des souches sont résistantes à l'[amphotéricine B](#)¹¹. L'[échinocandine](#) conserve une certaine efficacité¹².

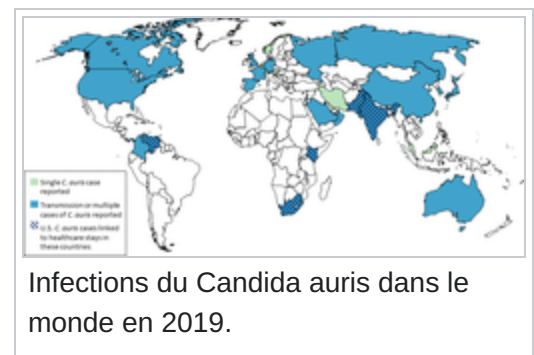
Génome [[modifier](#) | [modifier le code](#)]

Plusieurs projets de génomes issus du séquençage du génome entier ont été publiés^{8,13}. Le génome du *C. auris* s'est avéré coder plusieurs gènes de la famille des transporteurs ABC ([ATP-Binding Cassette](#)) et MFS (major facilitator superfamily), ce qui aide à expliquer sa multirésistance aux médicaments⁸. Son génome code également des familles de gènes liés à la [virulence](#), telles que les [lipases](#), les transporteurs d'oligopeptides, les mannosyl transférases et les [facteurs de transcription](#) qui facilitent la colonisation, l'invasion et l'acquisition du [fer](#)⁸. Un autre facteur contribuant à la résistance antifongique est la présence d'un ensemble de gènes connus pour être impliqués dans la formation de [biofilm](#)⁸.

D'autres études sont nécessaires pour déterminer si la divergence phylogénétique des clones de *C. auris* présente des profils d'invasivité, de virulence et/ou de résistance aux médicaments spécifiques à la région¹⁴.

Épidémiologie [[modifier](#) | [modifier le code](#)]

La **phylogénie** du *C. auris* suggère l'existence de **génotypes** distincts dans différentes régions géographiques présentant une diversité génomique substantielle¹⁴. Une variété de méthodes analytiques basées sur les séquences ont été utilisées pour appuyer cette découverte.



Le séquençage du génome entier et les analyses d'isolats provenant du **Pakistan**, d'**Inde**, d'**Afrique du Sud**, du **Venezuela**, du **Japon** et de génomes du *C. auris* précédemment séquencés et déposés dans les archives de séquence de lecture du Centre national de biotechnologie¹⁵ ont mis en évidence une répartition géographique distincte des génotypes⁴. Quatre **clades** distincts séparés par des dizaines de milliers de **polymorphismes mononucléotidiques** ont été identifiés. La distribution de ces clades a été isolée géographiquement en Asie du Sud (Inde et Pakistan), en Afrique du Sud, au Venezuela et au Japon, avec une diversité génétique minimale observée au sein de la région intrarégionale⁴.

L'analyse du polymorphisme de la longueur des fragments amplifiés d'isolats du *C. auris* du **Royaume-Uni**, d'Inde, du Japon, d'Afrique du Sud, de **Corée du Sud** et du Venezuela a suggéré que les isolats de Londres formaient un groupe distinct comparé aux autres¹⁶.

Une comparaison des séquences d'ADN ribosomal d'isolats du *C. auris* d'**Israël**, d'Asie, d'Afrique du Sud et du **Koweït** a révélé que les souches d'Israël étaient distinctes sur le plan phylogénétique de celles d'autres régions¹⁷. Chatterjee *et al.* a écrit en 2015 : « Sa répartition mondiale réelle reste obscure car les méthodes commerciales actuelles de diagnostic clinique l'identifient à tort comme étant *C. haemulonii* »⁸.

Notes et références [modifier | modifier le code]

- ↑ V. Robert, G. Stegehuis and J. Stalpers. 2005. *The MycoBank engine and related databases*. <https://www.mycobank.org/>, consulté le 27 février 2019.
- ↑ ^a ^b ^c K. Satoh *et al.*, « *Candida auris* sp. nov., a novel ascomycetous yeast isolated from the external ear canal of an inpatient in a Japanese hospital », *Microbiol Immunol*, vol. 53, n. 1, 2009, p. 41–44
- ↑ ^a ^b Juanita Bawagan (2019) [*The rise of a deadly superfungus may be tied to global warming*] ; 25 juillet 2019
- ↑ ^a ^b ^c ^d Lockhart *et al.* (2017) **Simultaneous Emergence of Multidrug-Resistant *Candida auris* on 3 Continents Confirmed by Whole-Genome Sequencing and Epidemiological Analyses** [archive]. *Clinical Infectious Diseases*. 64(2):134-140
- ↑ **(en)** *WHO fungal priority pathogens list to guide research, development and public health action*, **Organisation mondiale de la santé**, 2022, 48 p. (ISBN 978-92-4-006024-1, **lire en ligne** [archive]), p. 10.
- ↑ Salomé Kourdouli et Apolline Le Romanser, « « *Candida auris* », super champignon multirésistant », *Libération*, 13 mai 2023, p. 8 (**lire en ligne** [archive])
- ↑ "*Candida auris* Questions and Answers". Centers for Disease Control. 4 novembre 2016. archivé de l'original le 2 janvier 2017. Consulté le 1er janvier 2017
- ↑ ^a ^b ^c ^d ^e ^f ^g Chatterjee, S; *et al.* (2015), "Draft genome of a commonly misdiagnosed multidrug resistant pathogen *Candida auris*", *BMC Genomics*, volume 16, page 686, doi:10.1186/s12864-015-1863-z
- ↑ ^a ^b *Candida auris* Interim Recommendations for Healthcare Facilities and Laboratories". *www.cdc.gov*. Retrieved 2017-04-01
- ↑ Wasylyshyn A, Stoneman EK, *Management of *Candida auris** [archive], *JAMA*, 2024;331 :611–612

11.

↑

Tsay S, Welsh RM, Adams EH et al. *Notes from the Field: ongoing transmission of Candida auris in health care facilities - United States, June 2016-May 2017* [archive], MMWR Morb Mortal Wkly Rep, 2017;66:514-515

12.

↑

Forsberg K, Woodworth K, Walters M et al. *Candida auris: the recent emergence of a multidrug-resistant fungal pathogen* [archive], Med Mycol, 2019;57:1-12

13.

↑

Sharma, C; et al. (2015), "Draft genome sequence of a fluconazole-resistant *Candida auris* strain from a candidemia patient in India", *Genome Announc*, **3** (4): e00722–15, doi:10.1128/genomeA.00722-15, [PMC 4505117](#) [archive], [PMID 26184929](#) [archive]

14.

↑

^a et ^b Ben-Ami, R; Berman, J; Novikov, A (2017). "Multidrug-Resistant *Candida haemulonii* and *C. auris*, Tel Aviv, Israel". *Emerging Infectious Diseases*. **23** (1): 195–203. doi:10.3201/eid2302.161486. [PMC 5324804](#) [archive]. [PMID 28098529](#) [archive].

15.

↑

National Center for Biotechnology Information's Sequence Read Archive U.S. National Library of Medicine, retrieved 31 May 2017

16.

↑

(en) Silke Schelenz, Ferry Hagen, Johanna L Rhodes, Alireza Abdolrasouli, Anuradha Chowdhary, Anne Hall, Lisa Ryan, Joanne Shackleton, Richard Trimlett, Jacques F Meis, Darius Armstrong-James et Matthew Fisher, « First hospital outbreak of the globally emerging *Candida auris* in a European hospital », *Antimicrobial resistance and infection control*, [BMC](#) et [Springer Science+Business Media](#), vol. 5,‎ 19 octobre 2016, p. 35 (ISSN [2047-2994](#), [PMID 27777756](#), [PMCID 5069812](#), DOI [10.1186/S13756-016-0132-5](#)).

17.

↑

R. Miller, 1^{er} avril 1966, « Hospital design », *Hospitals*, vol. 40, n. 7, p. 91–94, (ISSN [0018-5973](#)), [PMID 5324804](#) [archive].

Liens externes

[

[modifier](#)


|

[modifier le code](#)


]

- Ressources relatives au vivant : [Global Biodiversity Information Facility](#) • [iNaturalist](#) • [Index Fungorum](#) • [MycoBank](#)

•

Ressources relatives à la santé : [Medical Subject Headings](#) • [WikiSkripta](#)
- 

[Portail de la mycologie](#)



[Portail de la parasitologie](#)
- Catégories : [Saccharomycetes](#) | [Espèce de champignons \(nom scientifique\)](#) | [Champignon parasite](#)

[Mycologie médicale](#) | [Épidémie au XXIe siècle](#) [+]
- La dernière modification de cette page a été faite le 6 décembre 2024 à 18:32.
- Droit d'auteur** : les textes sont disponibles sous [licence Creative Commons attribution, partage dans les mêmes conditions](#) ; d'autres conditions peuvent s'appliquer. Voyez les [conditions d'utilisation](#) pour plus de détails, ainsi que les [crédits graphiques](#). En cas de réutilisation des textes de cette page, voyez [comment citer les auteurs et mentionner la licence](#).

Wikipedia® est une marque déposée de la [Wikimedia Foundation, Inc.](#), organisation de bienfaisance régie par le paragraphe [501\(c\)\(3\)](#) du code fiscal des États-Unis.
- [Politique de confidentialité](#)

[À propos de Wikipédia](#)

[Avertissements](#)

[Contact](#)

[Contacts juridiques & sécurité](#)

[Code de conduite](#)

[Développeurs](#)

[Statistiques](#)

[Déclaration sur les témoins \(cookies\)](#)

[Version mobile](#)